利用 SSR 标记构建萝卜种质资源分子身份证

邱杨一,李锡香一,李清霞一,陈亦辰2,沈 镐一,王海平一,宋江萍一

(¹中国农业科学院蔬菜花卉研究所/农业部蔬菜作物基因资源与种质创制北京科学观测实验站,北京 100081; ²北京工业大学应用数理学院,北京 100124)

摘要:为了保护我国特有的优异萝卜资源,促进资源的有效区分和合理利用,保障我国萝卜产业发展,目前需积极开展萝卜种质资源的特异性鉴定和种质识别技术研究。本研究基于 SSR 分子标记、信息处理和图像处理技术,筛选出 22 对 SSR 引物对 75 份来源和特征不同的代表性萝卜种质进行鉴定,共扩增出 153 条带,其中多态性条带为 87 条,平均多态性位点百分率为 55.49%,平均每对引物可扩增出 6.95 条带和 3.95 条多态性带,有效地显示出每份萝卜种质的特异性。基于最少引物鉴定最多种质的原则,利用 MATLAB 程序筛选出 8 对 SSR 引物,依据 8 对引物的扩增数据,经过多态性谱带的有序编码转换,构建出 75 份萝卜种质分子身份证。结果显示利用 SSR 标记构建萝卜种质分子身份证进行种质资源的鉴定和保护是可行的。

关键词:萝卜;分子身份证;SSR

Establishment of the Molecular Identification for Radish Germplasm Using SSR Markers

QIU Yang¹, LI Xi-xiang¹, LI Qing-xia¹, CHEN Yi-chen², SHEN Di¹, WANG Hai-ping¹, SONG Jiang-ping¹

(Institute of Vegetables and Flowers, Chinese Academy of Agricultural Sciences/Beijing Research Station of Vegetable Crop Gene Resource and Germplasm Enhancement, Ministry of Agriculture, Beijing 100081; College of Applied Mathematics Science, Beijing University of Technology, Beijing 100124)

Abstract: In order to protect our unique and excellent radish resources, promote efficient resource discrimination and rational utilization, and protect development of radish industry, it is necessary to carry out the specific verification and germplasm identification technology for radish germplasms. Based on SSR markers, information and image processing technology, 153 bands were generated among 75 radish germplasms using 22 pairs of SSR primers in this study, of which 87 bands were polymorphic. The percentage of polymorphic alleles was 55, 49%. On average, the numbers of alleles per SSR locus and polymorphic bands were 6, 95 and 3, 95, respectively. The genetic diversity among these radish germplasms was rich. After raw data processing and filtering by MATLAB, 75 radish germplasms could be distinguished and their molecular identities were constructed using 8 pairs of SSR primers. It showed that it was feasible to employ SSR markers to construct the molecular identities for elite germplasm resource and new varieties of radish.

Key words: radish: molecular identification: SSR

萝卜大约在 2000 年前传入我国^[1]。古往今来, 萝卜一直是我国人民生活中的重要蔬菜之一。萝卜 种质资源丰富,类型和品种繁多。根据 FAO 截止到 2009 年的统计数据,全球种质资源库共保存萝卜资

收稿日期:2013-08-02 修回日期:2013-09-17 网络出版日期:2014-04-08

URL; http://www.cnki.net/kcms/detail/11/4996.S. 20140408.0848.017.html

基金项目:国家科技支撑计划项目(2006BAD13B06-4、2013BAD01B04、2012BAD02B01); "863"课题(2012AA021801);农业部资源保护项目(2012-2130135-28);农业部园艺作物生物学与种质创制重点实验室

第一作者研究方向为蔬菜种质资源学。E-mail:qiuyang@ caas. cn

通信作者:李锡香,研究方向为蔬菜种质资源学。E-mail:Lixx0612@163.com

源 1 万余份。其中,我国蔬菜种质资源中期库中就保存有 2164 份,主要是我国地方品种。为了保护我国特有和优异萝卜资源,促进资源的有效区分和合理利用,保障我国萝卜产业发展,需积极开展萝卜种质资源的特异性鉴定和种质识别技术研究。

P. D. Hebert 等^[2]率先于 2003 年选取线粒体细 胞色素 c 氧化酶亚基 I (COI, cytochrome c oxidase subunit I)作为动物中通用的物种鉴定标记,并提出 DNA 条形码的定义。但是,关于一个物种内遗传变 异的鉴定及其种质身份的识别技术源于 A. J. Jefferevs 等[3]1984 年报道的 DNA 指纹(DNA fingerprinting)或 DNA 图谱(DNA profiling)技术,该技术最先 用于犯罪调查和亲子鉴定。随着各种分子标记技术 的发展,育种家实现了新品种保护意识的加强,促进 了作物 DNA 指纹图谱研究的发展^[4-6]。但早期的指 纹图谱大都是基于少数品种和有限标记识别位点, 其应用的广度非常有限,而且指纹图谱鉴定在于对 比图片中的众多差异,不易快速区分不同品种。近 几年,分子身份证的概念应运而生。分子身份证与 指纹图谱的功能相同,但前者原则上是以广泛基因 组覆盖度的最少共显性特异变异位点或标记为基 础,提取每份种质有代表性、稳定和特异的遗传信 息,并通过数字化处理和软件分析建立分辨不同种 质的字符串形式,以达到简单明了地区分品种间差异,在广度上更直观地进行品种检索的目的^[7]。目前,植物分子身份证建立仍然处于发展的初期。艾呈祥等^[8]利用 10 对 SSR 引物对 38 份甜樱桃种质进行扩增,将分子指纹赋值后构建了其分子身份证。高运来等^[7]利用 9 对 SSR 引物构建了 83 份黑龙江部分大豆品种的分子身份证。陈昌文等^[9]从 80 对引物中筛选出来自桃 8 条染色体上的 8 对 SSR 核心引物,构建了 176 份种质的分子身份证。而在蔬菜作物中还没有相关报道。

作为构建蔬菜作物种质资源分子身份证的尝试,本研究基于萝卜 EST-SSR 标记和 75 份具有典型性和代表性的特异优异萝卜种质进行了分子身份证构建技术的研究,以期正确反映或标识我国萝卜种质的多样性和特异性,促进特异和优异萝卜资源的有效识别和保护利用。

1 材料与方法

1.1 材料和试剂

所用材料为中国农业科学院蔬菜花卉研究所种质资源室在萝卜表型核心种质构建的基础上,确定的75份萝卜特异和优异自交系种质(表1)。营养钵育苗,取嫩叶供分析。

表 1 供试萝卜材料

Table 1 Source of radish materials

材料编号 Code	统一编号 Accession number	品种名称 Accession name	类型 Type	来源 Origin
HX08-1	V01 A0997	心里美	绿皮红肉	天津西郊区
HX08-12	V01 A0070	心里美	绿皮红肉	北京
HX08-15	V01 A0345	心里美	绿皮红肉	河南引自北京
HX08-21	V01A0818	红心水萝卜	红皮红肉	山东兖州市
HX08-33	V01 A0757	红心萝卜	红皮白肉	山东泰安市
HX08-40	V01A1832	莒县青皮红心	绿皮红肉	山东莒县
HX08-46	V01A1352	红皮心里美	红皮红肉	河北农科院蔬菜所
HX08-49	V01A1908	心里美	绿皮红肉	新疆石河子
HX08-51	-	陪陵红心1	红皮红肉	重庆涪陵
HX08-53	V01 A0983	小辛庄青萝萝卜	绿皮绿肉	天津南郊区
HX08-54	V01 A0984	二路缨子	绿皮绿肉	天津南郊区
HX08-57	V01A0016	煨壶萝卜	绿皮绿肉	安徽阜南县
HX08-58	V01 A0004	青皮脆	绿皮绿肉	安徽蚌埠市
HX08-66	V01 A0995	沙窝青萝卜	绿皮绿肉	天津西郊区
HX08-86	V01 A0763	潍城潍县青	绿皮绿肉	山东潍城县
KB07-15	V01 A0891	新生	浅绿皮白肉	山西蔬菜所
KB09-1	-	夏白玉株系1	白皮白肉	韩国
KB09-5	V01A1032	三月萝卜	浅绿皮白肉	云南昆明市
KB09-6	V01A0316	武陟透心红	红皮白肉	河南武陟县
KB09-7	V01 A0596	稍白尖	粉红皮白肉	内蒙古丰镇县
KB09-9	V01 A0377	柘城大红袍	红皮白肉	河南柘城县
KB09-10	-	俄引 4-1号	红皮白肉	俄罗斯

表 1(续)

		农1(续)				
材料编号 Code	统一编号 Accession number	品种名称 Accession name	类型 Type	来源 Origin		
KB09-11	V01A0174	小梅耙齿	绿皮白肉	广东新会县		
KB09-12	V01A0610	红水萝卜	粉红皮白肉	内蒙古乌兰浩特市		
KB09-20	V01A0319	西峡露头青	绿皮白肉	河南西峡县		
KB09-21	V01A0918	大青皮	白皮白肉	陕西引自北京		
KB09-22	-	心里美	绿皮红肉	北京		
KB09-23	-	春早红	红皮白肉	北京		
KB09-25	V01A0817	水萝卜	绿皮绿肉	山东邹平县		
KB09-32	V01 A0607	当地大萝卜	白皮白肉	内蒙古翁牛特旗		
KB09-35	V01 A0926	丹东青	浅绿皮白肉	辽宁丹东市		
L08Q-1	-	YR 株系 1	白皮白肉	韩国		
L08Q-5	-	生粹大根株系1	白皮白肉	韩国		
L08Q-7	<u>-</u>	夏白玉株系2	白皮白肉	韩国		
L08Q-8	_	YR 株系 2	白皮白肉	韩国		
L08 Q-11	_	世农 YR1010	紫红皮白肉	韩国		
L08Q-12	V01 A0653	 大红袍	红皮白肉	山东东平县		
L08Q-13	V01A0274	临汝露头青	绿皮白肉	河南临汝县		
L08Q-16	-	夏秋美浓	白皮白肉	韩国		
L08Q-17	_	秋诘	白皮白肉	韩国		
L08Q-19	_	东方黑根	黑皮白肉	俄罗斯		
L08Q-20	<u>_</u>	圆红	红皮白肉	北京		
L08Q-21	<u>_</u>	涿州绿皮	绿皮白肉	河北		
L08Q-21	V01 A0956	秦菜二号	绿皮白肉	陕西西安市		
L08Q-27	V01 A0889	ポーラ 国光	绿皮白肉	山西蔬菜所		
L08Q-27 L08Q-29	V01 A0228	上碑白萝卜	白皮白肉	河北行唐县		
L08Q-29 L08Q-30	V01A0228 V01A0933	上四日多下 绛县白	白皮白肉	山西绛县		
-	V01 A0933	年				
L08Q-32	V01 A0072		红皮白肉	北京		
L08Q-33	-	白秋美浓	白皮白肉	韩国		
L08Q-35	-	生粹大根株系2	白皮白肉	韩国		
L08Q-37		半截绿	绿皮白肉	山东		
L08Q-38	V01A1054	大樱洋红萝卜	红皮白肉	浙江杭州市		
L08Q-39	-	韩引 1 号	白皮白肉	韩国		
L08Q-40	-	自玉小畔	白皮白肉	韩国		
L08Q-41	-	俄引 4-2 号	红皮白肉	韩国		
L08Q-46	V01 A0857	河津牛角白	白皮白肉	山西河津县		
L08Q-49	V01 A0404	滩头坪萝卜	白皮白肉	湖南长沙市		
L08Q-50	V01 A0227	邢台心里美	绿皮紫红肉	河北邢台市		
L08Q-53	V01A0104	四季红萝卜	红皮红肉	四川石棉县		
L08Q-56	V01A0569	心里美	绿皮红肉	辽宁农科院		
L08 Q-57	V01A0838	红心萝卜	红皮红肉	山东汶上县		
L08 Q-58	V01A1098	红心萝卜	红皮白肉	四川丰都县		
L08Q-61	V01A1845	枣庄红皮红心	红皮红肉	山东枣庄市		
L08 Q-62	-	陪陵红心 2	红皮红肉	重庆涪陵		
L08 Q-63	V01 A0627	红旦旦水萝卜	红皮白肉	宁夏中卫县		
L08Q-64	V01A1823	克谢尼亚(乌15)	红皮白肉	山东引自乌克兰		
L08Q-65	V01A1840	红皮白尖(俄49)	紫红皮白肉	山东引自俄罗斯		
L08Q-66	V01A0475	白杨花萝卜	白皮白肉	江苏句容县		
L08Q-67	V01A1010	白蛋子春萝卜	白皮白肉	新疆乌鲁木齐县		
L08Q-70	V01A0626	白旦旦水萝卜	白皮白肉	宁夏中卫县		
L08Q-71	_	俄引3号	浅绿皮白肉	俄罗斯		
L08Q-72	_	俄引 4-3 号	红皮白肉	俄罗斯		
L08Q-74	_	俄引 6 号	浅绿皮白肉	俄罗斯		
L08Q-75	-	俄引8号	红皮浅紫肉	俄罗斯		
L08Q-77	_	俄引 12 号	红皮白肉	俄罗斯		

^{-:}未入库资源,无统一编号

^{-:} The resources are not conserved in genebank and without unique accession number

根据萝卜 cDNA 文库测序(RadishDB)已公布 SSR 引物序列(表 2)及引物在染色体上的位置,选择分布于染色体着丝粒两端的 71 对 SSR 引物,由英潍捷基(上海)贸易有限公司合成。 Taq DNA 聚合酶、dNTPs、Marker 购自北京天根生物技术公司。

表 2 入选萝卜 EST-SSR 引物序列

Table 2 Sequence of SSR primers based on radish EST

71.46 p ·	7434P	E 4 7 14 P
引物 Primer	正向引物 Forward sequence	反向引物 Reverse sequence
Bn26A	TAAACTTGTCAGACGCCGTTATC	CCCGTAAATCAAGCAAATGG
Bn35d	GCAGAAGGAGGAGAAGAGTTGG	TTGAGCCGTAAAGTTGTCACCT
BRMS-005	ACCTCCTGCAGATTCGTGTC	GCTGACCTTTCTTACCGCTC
Na10-D07	CTACTTTGATGGACACTTGCC	TCTGAAGTTGATTAGTCGGTCC
Na10-G10	TGGAAACATTGGTGTTAAGGC	CATAGATTCCATCTCAAATCCG
Na10-H06	AGAATGAGACCCAGAAACCG	GCCACACTCTCTCTTACTAGGGC
Na12-E05	CGTATGTTTGTTCCACCTGC	ACTAGCAACCACAACGGACC
Na14-E08	TTACTATCCCCTCTCCGCAC	GCGGATTATGATGACGCAG
Ni3-D03	ACCGGAGACGAAACTACCG	CCTCTTCGACGTTTTTGGTG
Ol10-G05	TCAATGCTCTTGTAGTCTTTGACC	AGAATGAGAGCGTGGAGAGG
Ol10-G05	TCAATGCTCTTGTAGTCTTTGACC	AGAATGAGAGCGTGGAGAGG
Ra1-H08	GTCGATGATCACGGAAGAGG	CTTGACAGCTACGGTTTGTCC
Ra2-E11	GGAGCCAGGAGAAGAAGG	CCCAAAACTTCCAAGAAAAGC
JKC1	TGCACGTGGTATGTGATAAA	GAATGAGCAAATTAACTTAAGG
JKC2	TAACCCGTCAGGGAAGACAC	AATGGCACCCACTACCATTT
JKC4	AGAAGCGAGAATGGCTTTCA	CACGAAAGCAGACCAAGACA
JKC15	AGCAACAGAAGGCAAACACA	CCTGGTGCTTCCAACAATTT
170	ATCTTCATGCTGCCTTTCGC	TTGCAAAGAGCAAACGAGAG
343	CGGTGGAATTTTCCAAAGAA	TGTCTTTCTCTCTCCCTATCACA
391	AGACCCGTTTGAGGGTTTCT	CTAGTCCAAGCCGCTTCAGT
612	CGGTCTAGCGAAAAGGAAGA	GGCCACAGAAACACGAAACT
722	AGGAGATCAACGACCCATGA	TACACACCTGGCACTCGTTC
881	TCGTACCCATGTTGTAAAACC	CAACTTCCTCGAGCCTAACG
1142	CTCTGCCCAACATTCTCTCC	TCCGGACTCTTCTTCGTCTC
1290	CTCGAAGCTGCTCTCCAT	CCGAGCACGAAGAGGAATAC
2170	CAAGGAGGAAACCGTGAAAA	GGAAGTGATTTTTGCCTTGG
2530	AATCAAAGGAAACGCCAATG	CCAAGCAAAGCCTTTACGAC
2925	CGAGTGCGATGTTCAATGTG	GATTCGGGTAGCTTCAGCAG
3054	CCCTCTACAAACCCAAAACAA	GGTTTGACCCAAATCACGAC
3518	GGAGGAGCAATGTCGTCTTC	TGCTGTGGAATCTCTTGTGC
4386	CTTTTGTTTTGGAATTTCTT	ACCGCCTGGTTTACCAATCT
4533	AAGTGAGAGGGAGGACCAT	GACATCGAACAAAGCGATCA
5425	CCGCTACATCCTCTGACCTC	CCGGAGTAGTTAGGCGACTG
5487	CACAAGCTGCGTTGAAAATG	TCAAGCGTGTACACAGCACA
5761	ACCTTGAGGAGGAGCTGTGG	AGGGCCAACGAGGAAGTAAT
5937	CAAAAGTAACAGAGAGCGGAGA	GGAGAAGAAGAGCAGCGAGA
5950	GATGGTGGACTCGGAAGAAA	ACAATTTTGCAGCGAGAAGC

表 2(续)

引物 Primer	正向引物 Forward sequence	反向引物 Reverse sequence
7024	CAGATCGGAAACGGAAGAAA	GGCTGCTTCTCTGGTGGTAG
7916	CCTCGTTCAGGAAAGGGAAT	GGTCGCAGCACAAGAGAGTA
1159	CAAAGCAAAATAATGGCTTTGAA	GCAGCAACACTCACTTTCCA
1299	TCGTAGGCAAAAATCAAAAGC	CTTCCCATAACCGCAAGCTA
2044	GGAGCCGAACTTGAACTTGA	CCTCCTCGACTGACGCTTAG
2128	ATCCCACTGGCCACAGTTAG	GAGAGGAACCCAGCAGTAGC
2333	TTAGGGCTTTGGTCTTTGGA	CACATCATGGCTTTCTCCAC
2486	GCGGTGTTTGATTCGCTTAT	ATTCTTCTCGTCCTCGTCCA
2540	CGGTGGTCTTTCTCTCCAAA	CCTCCTCAACACCGATTCTC
2917	GGTGTACCGAAGGAGACGAA	GAGGAGCAAGACGAGGACAC
3022	TGGGGTGAAAACGATACGAT	GGCAAAACCCAAAGAACAAA
3027	CTGTTCGTCGCATGATCGTA	AATCCATGTCCACACATCTCC
3178	CCGAACCGAGTCTTTGGATA	ATTCGAGGTCAAGTTCGACA
4113	AGATGCTGACTTGGCAGGTT	CCTTTTCACCATCACCATCA
4155	TTGGTTGCGTCGATACAGAG	GTTCTGCAATGCTGTGGCTA
7164	TGTGAGAAAGAGTCCCTCTCTTG	GAGACAGCTCTAAGGAAACGGTA
7304	GAAGCCCTCAGATGTCAAGC	CATCCGTTTTGAAGATGGAAA
7591	GCTTCTGCATGTGGGATTCT	GGATTTGAGGCGTCTGGTAA
7936	TTTCGCGGGAGAGAAGACTA	CTCGACCAACGGAAAACATC
8640	TACCCAAAATCGAATCGAAA	TTCCCCCGTATACCTTCTCC
8670	CAGTTAGCAGGCCAACGACT	GTCTGCTCTTGCTCGGTTGT
154(2)	AGGTCAAGGACGAGCAAGAA	TTCTTGGTTCCGAAAGATGG
Na10-A08	CATGGTTAAAACAATGGCCC	CAAGAAACACCATCATTTCTCA
Na10-F08	AAACTTGCTTTCGAGGATGG	AAACCAGTTGACTCCATCGG
Na12-H02	CTATGGTTCATCTTTCGCCG	GCTGCACATCCATCTCTCG
Na14-F11	CTATGGTTCATCTTTCGCCG	CATGCTCCAACCACAGTTTG
Na14-G06	AAACGGCTTGCATTGTTCTC	GGCTTGCTTGATCCAGTCTC
Ni2-A02	GAGTGGAATCTTGCTACTGTCG	AAGGTCTGTGGAAATGACAGG
Ni2-C12	ACATTCTTGGATCTTGATTCG	AAAGGTCAAGTCCTTCCTTCG
Ni2-E05	CTCGTCTCAGGGATTATGTCG	CAGACAGAGGATAGACCGAACC
Ol10-F09	AGAGAGCGAGATTGATTGGC	AAACGACCACGAGTGATTCC
Ol11-E03	GCTCTCCCAGTGAGAATCAC	GAAAACCAATCCAGTGCCTG
Ra3-D02B	CACAGGAAACCGTGGCTAGA	AACCCAACCTCAACGTCTTG
JKC3	CCACTTCTTCCCCACACTA	TTCATCAATGGTGACCAAAT

1.2 方法

1.2.1 DNA 提取与检测 每份萝卜种质取 10 株,选取嫩叶混合取样,冷冻干燥后,粉碎。采用改良的 CTAB 方法 [10] 提取 DNA。利用 1% 的琼脂糖凝胶电泳检测 DNA 浓度。并将每份样品的浓度稀释到 $20\sim25$ ng/ μ L。

1.2.2 SSR 分析 PCR 反应扩增体系为20 μL, 其中 DNA 40 ng、10 mmol/L 引物 0.25 μL、

25 mmol/L MgCl₂ 1.2 μL、1 mmol/L dNTPs 1.2 μL, Taq 1U。PCR 扩增在 PTC-100PCR 仪上进行。扩增程序为 94 ℃ 预变性 5 min;94 ℃ 变性 30 s、55 ~ 58 ℃ 退火 30 s、72 ℃ 延伸 1 min,35 个循环;72 ℃ 延伸 7 min。PCR 产物采用 6% 非变性聚丙烯酰胺凝胶电泳,160 V 稳压电泳 1.5 ~ 2.0 h。银染显色 [11]。

1.2.3 数据处理和分析 将电泳图谱上清晰可 见且可重复出现的条带记为1,同一位置没有出 现带的记为0,生成由1和0组成的二进制代码 编码。计算多态性位点百分率 $(p): p = (k/n) \times$ 100%,其中k为多态性位点数目;n为所测位点 总数。按照各种质每对引物扩增出的条带类型, 将每对引物产生的各种质1和0二进制代码编 码转换成十进制代码,赋值固定。利用 MATLAB 软件进行编程,本程序包括1个主函数 MAIN. m 和 4 个子函数 SAME. m、PICK. m、ID. m、Print-Name. m。每个子函数均可以独立使用,集成使 用时可以直接调用主函数即可完成4个函数的 调用。利用该程序首先确认是否有完全相同的 种质(如果有则进行剔除),然后根据最少引物代 表最多种质的原则,挑选最具代表性的引物。最 后,利用条形码生成器,将十进制数字转换成 Code128bWin 形条形码。

2 结果与分析

2.1 75 份萝卜种质 SSR 标记多态性分析

从71 对引物中筛选出22 对扩增多态性高、带型清晰、重复试验均出现同样带型的引物。22 对引物在75 份种质中共扩增出153 条谱带,其中多态性条带87条,平均多态性位点百分率为55.49%,平均每对引物可扩增出6.95 条带和3.95条多态性带。不同引物扩增出的总带数和多态性带数差异较大。Ra2E11、7304、3518、343多态性百分率为100%(表3)。

2.2 75 份萝卜种质的特异性分析

根据 75 份萝卜 SSR 扩增条带,可以清晰的找到各引物扩增出的特异条带,即特异位点。如在利用引物 BrmS005 扩增的条带中,只有萝卜种质 L08Q-38 扩增出"2"编码的带型,即 170 bp 和140 bp 2 条带,而 160 bp 和150 bp 处无带;在单一条带扩增中,只有萝卜种质 L08Q-11、KB08-25、L08Q-65 能够扩增出 160 bp 的条带。引物2170 扩增的条带中,只有 HX08-58 能够扩增出

"8"号编码的带型。其他材料经过多态性带的组合便可得以区分。

2.3 75 份萝卜种质分子身份证的构建

统计各多态性引物在所有种质中扩增得到的各位点二进制代码的组合数,并固定各引物及其条带组合类型的顺序,继而对各组合进行十进制赋值并转换成十进制代码(表3、表4)。用最少的数字串确定每一个品种唯一的有序编号。经过原始数据的处理和在MATLAB中的筛选,最终的数据表大小为8×75,即最终的编码长度为8位、按照引物顺序BrmS005、2170、2333、5761、612、Bn35d、JKC4、2917组成。利用条形码生成器将数字转换成条形码(表5),即得到每份种质唯一的身份证。

表 3 不同 SSR 引物对 75 份萝卜种质扩增产物多态性比较 Table 3 Comparison of genetic diversity among 75 radish germplasms amplified by different SSR primers

	多态性		多态性	十进制代码
引物对	多恋性 带数 No. of	总带数	多心性 百分率(%)	组合数
Primer	polymorphic	Total	日ガ辛(ガ) Percentage of	Combinations
riimei	bands	bands	polymorphic bands	of decimal
	Dands		porymorphic bands	code system
Ra2E11	11	11	100	26
7304	10	10	100	29
3178	7	9	77. 78	7
1290	7	8	87. 5	9
2925	6	10	60	9
3518	6	6	100	6
7936	4	5	80	4
BrmS005	4	12	33. 33	6
Na14E08	4	6	66. 67	9
343	3	3	100	5
2170	3	10	30	8
2333	2	6	33. 33	4
Na12H02	2	7	28. 57	2
2486	2	6	33. 33	3
4533	2	6	33. 33	3
5761	2	7	28. 57	3
612	2	8	25	3
Bn35d	2	8	25	3
JKC4	4	3	75	4
2917	1	3	33. 33	2
0110CO2	1	5	20	2
2540	2	4	50	4
总体 Total	87	153		
平均 Average			55. 49	6. 86

表 4 入选引物原始矩阵组合

Table 4 Original matrix combination of selected primers

	二进制代码组合与十进制代码								
引物对	Binary code combination and decimal code								
Primers	PCR 产物长度(bp)		2	2	4	-	-		
	Length of the PCR product	1	2	3	4	5	6	7	8
BrmS005	170	1	1	1	0	0	0		
	160	0	0	0	1	0	0		
	150	1	0	0	0	1	0		
	140	0	1	0	0	0	1		
2170	200	1	1	1	0	0	0	0	1
	180	1	0	0	1	1	0	0	1
	170	1	0	1	1	0	1	0	0
2333	160	0	0	1	1				
	150	0	1	0	1				
5761	250	1	1	0					
	230	0	1	1					
612	180	1	1	0					
	170	0	1	1					
Bn35d	250	1	1	0					
	240	0	1	1					
JKC4	220	1	1	0	0				
	210	1	0	1	0				
2917	270	0	1						

表 5 萝卜种质分子身份证号码

Table 5 Molecular identification number for radish Germplasm

				-				
	分子身份证	分子身份证		分子身份证	分子身份证		分子身份证	分子身份证
种质编号	号码 Molecular	条形码 Molecular	种质编号	号码 Molecular	条形码 Molecular	种质编号	号码 Moleculari	条形码 Molecular
Code	identification	identification	Code	identification	identification	Code	dentification	identification
	number	barcode		number	barcode		number	barcode
L08 Q-12	12232121	12232121	L08Q-64	51333331	51333331	L08Q-40	55233321	55233321
L08Q-5	12233121	12233121	KB09-12	52213142	52213142	KB09-9	55313341	55313341
L08Q-22	13231222	13231222	L08Q-30	52213321	52213321	L08Q-37	55332131	55332131
KB09-22	14223122	14223122	L08Q-7	52233121	52233121	L08Q-39	55333141	55333141
HX08-49	14333321	14333321	L08Q-75	52233141	52233141	L08Q-77	55413132	55413132
KB09-35	15231121	15231121	L08Q-71	52233332	52233332	L08Q-56	55413221	55413221
L08Q-61	15233221	15233221	L08Q-17	52331121	52331121	HX08-1	55423221	55423221
L08Q-53	15313231	15313231	KB07-15	53133242	53133242	HX08-66	55423321	55423321
L08Q-57	15413221	15413221	L08Q-16	53232222	53232222	HX08-33	55433121	55433121
KB09-21	16222121	16222121	L08Q-35	53233141	53233141	HX08-15	55433221	55433221
L08Q-49	16323141	16323141	L08Q-62	53333241	53333241	L08Q-1	56213131	56213131
HX08-58	18413221	18413221	HX08-51	53333311	53333311	HX08-46	56213321	56213321
L08Q-38	25233131	25233131	L08Q-8	54221131	54221131	L08Q-74	56213341	56213341
L08Q-72	32213141	32213141	HX08-40	54223241	54223241	L08Q-13	56231241	56231241
KB09-5	34233141	34233141	HX08-53	54333221	54333221	KB09-32	56313121	56313121
L08Q-66	34433221	34433221	L08Q-46	54413221	54413221	L08Q-29	56333241	56333241
KB09-10	35213111	35213111	HX08-54	54423221	54423221	HX08-86	56413121	56413121
KB09-23	35233141	35233141	L08Q-21	54433221	54433221	HX08-21	57213121	57213121
KB09-7	35233322	35233322	L08Q-20	55213121	55213121	L08Q-63	57213141	57213141
L08Q-70	35323122	35323122	L08Q-67	55213131	55213131	KB09-1	57333111	57333111
KB09-6	35333211	35333211	L08Q-32	55213341	55213341	L08Q-27	57333121	57333121
L08Q-58	35413121	35413121	L08Q-33	55231141	55231141	KB09-20	57333321	57333321
L08Q-11	45323132	45323132	L08Q-50	55233121	55233121	L08Q-19	63233342	63233342
KB09-25	46313121	46313121	HX08-12	55233221	55233221	L08Q-41	65233341	65233341
L08Q-65	47333142	47333142	HX08-57	55233222	55233222	KB09-11	68333141	68333141

3 讨论

本研究基于 SSR 分子标记、信息处理和图像处 理技术,尝试构建了萝卜优异种质分子身份证。分 析表明,应用经筛选获得的 SSR 标记能有效地揭示 75 份萝卜种质丰富的遗传多样性和特异性;经过原 始数据的处理和 MATLAB 筛选,8 对 SSR 引物能有 效区分75份萝卜种质。萝卜分子身份证的初步构 建及其应用有望为正确反映或标识种质的多样性和 特异性、有效地防止我国特有资源的流失提供依据 和技术支持。虽然植物种质资源分子身份证的研究 有了一定的进展,但是从已发表的桃[9]、水稻[12-14]、 葡萄^[15]、甜高粱^[16]、大豆^[7,17]、亚麻^[18]、苎麻^[19]、红 麻[20]、甘蔗[21]、茶等[22]不同研究材料的处理、标记 种类及其核心引物的选择、身份证编码的规则以及 身份证适用范围的验证上,同种作物及不同物种之 间都缺乏统一的标准,该技术还有待于进一步的实 践验证及标准化。

种质库中保存的种质大多为地方品种,对于自 花授粉作物而言,其种质的纯度相对较高,但是对于 异花授粉蔬菜而言,种群群体内不可避免地存在群 体内遗传多样性。无论是自花授粉作物,还是异花 授粉作物,任何种质经过多代自交获得的自交系理 论上群体内单株间应该是高度一致的,单株的每个 位点也应该是纯合的。本研究认为,对于种质资源 库保存的资源来说,群体内存在明显表型多样性的 种质是不适合构建分子身份证的,因为以少数单株 为代表的样本不能代表种质的整个群体。来源于原 始种质高代自交系是种质中一个单株的后代,其分 子身份证亦不能代表原始种质。因此,建议在构建 分子身份证前,应该加强种质资源的整理使其成为 表型上基本一致的种质。在以后的更新过程中,通 过科学方法,尽可能保持其遗传多样性和遗传稳 定性。

本研究所构建的分子身份证在现有材料的范围内是可以用于有效鉴定不同材料的。但是,仍未包含所有的种质类型,还不足用于鉴定和区分所有种质。在分子身份证应用过程中,当某份种质与现有标记的扩增谱带类型完全一致时,也不能断定两份种质是完全相同的。建议基于基因组测序或高密度连锁图谱构建开发一套备用引物,进一步分析鉴定

新的样本,以验证其是否完全一致或存在差异。随着萝卜核心种质构建或具有遗传多样性代表性种质资源的获得以及种质身份证的完善将更有利于分子身份证的应用。

参考文献

- [1] Crisp P. Radish, Raphanus sativus (Cruciferae) [M]//Smartt J, Simmonds N W. Evolution of crop plants, 2nd Edition. UK: Longman Scientific & Technical, 1995:86-89
- [2] Hebert P D, Cywinska A, Ball S L, et al. Biological identifications through DNA barcodes [J]. Proc Biol Sci, 2003, 270; 313-321
- [3] Jeffreys A J, Wilson V, Thein S W. Hypervariable 'minisatellite' regions in human DNA [J]. Nature, 1984, 314: 67-73
- [4] 陈琛,张兴桃,程斐,等. 秋甘蓝品种的 SSR 指纹图谱的构建 [J]. 园艺学报,2011,38(1): 159-164
- [5] 赵卫国,王灏,李殿荣,等. 甘蓝型特高含油量油菜种质及其 主栽品种的指纹图谱构建[J]. 植物遗传资源学报, 2011,12(6): 904-909
- [6] 高源,田路明,刘凤之,等.利用 SSR 荧光标记构建 92 个梨品 种指纹图谱[J].园艺学报,2012,39(8): 1437-1446
- [7] 高运来,朱荣胜,刘春燕,等.黑龙江部分大豆品种分子 ID 的 构建[J]. 作物学报,2009,35(2):211-218
- [8] 艾呈祥,张力思,魏海蓉,等. 甜樱桃品种 SSR 指纹图谱数据库的建立[J]. 中国农学通报,2007,23(5):55-58
- [9] 陈昌文,曹珂,王力荣,等. 中国桃主要品种资源及其野生近缘种的分子身份证构建[J]. 中国农业科学,2011,44(10):2081-2093
- [10] 孔秋生,李锡香,向长萍,等. 栽培萝卜种质亲缘关系的 AFLP 分析[J]. 中国农业科学,2005,38(5);1017-1023
- [11] Qin R Z, Qiu Y, Cheng Z J, et al. Genetic analysis of a novel dominant rice dwarf mutant 986083D [J]. Euphytica, 2008, 160: 379-387
- [12] 陆徐忠, 从夕汉, 刘海珍, 等. 杂交水稻亲本分子身份证及 SSR 指纹数据库的建立[J]. 核农学报, 2012, 26(6): 853-861
- [13] 辜大川,邱东峰,殷明珠,等.水稻优异资源分子身份证的建立[J]. 湖北农业科学,2012,51(24):5579-5589
- [14] 颜静宛,田大刚,许彦,等.杂交稻主要亲本的 SSR 分子身份 证数据库的构建[J].福建农业学报,2011,26(2):148-152
- [15] 杜晶晶,刘国银,魏军亚,等. 基于 SSR 标记构建葡萄种质资源分子身份证[J]. 植物研究,2013,33(2):232-237
- [16] 王黎明,焦少杰,姜艳喜,等. 142 份甜高粱品种的分子身份证构建[J]. 作物学报,2011,37(11): 1975-1983
- [17] 丁俊杰,姜翠兰,顾鑫,等. 利用与大豆灰斑病抗性基因连锁的 SSR 标记构建大豆品种(系)的分子身份证[J]. 作物学报,2012,38(12): 2206-2216
- [18] 郝冬梅,邱财生,于文静,等.亚麻 RAPD 标记分子身份证体 系的构建与遗传多样性分析[J].中国农学通报,2011,27 (5):168-174
- [19] 王晓飞,陈建华,栾明宝,等. 苎麻种质资源分子身份证构建的初步研究[J]. 植物遗传资源学报,2010,11(6): 802-805
- [20] 郑海燕,栗建光,戴志刚,等.利用 ISSR 和 RAPD 标记构建红麻种质资源分子身份证[J].中国农业科学 2010,43(17): 3499-3510
- [21] 刘新龙,马丽,陈学宽,等. 云南甘蔗自育品种 DNA 指纹身份 证构建[J]. 作物学报,2010,36(2): 202-210
- [22] 杨阳,刘振,赵洋,等. 湖南省主要茶树品种分子指纹图谱的构建[J]. 茶叶科学,2010,30(5):367-373